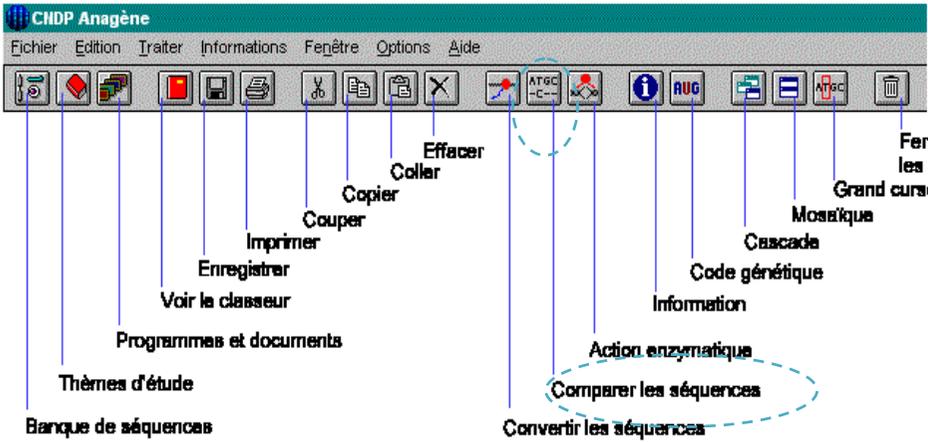


COMPARAISON AVEC ANAGENE

Les icônes de la barre d'outils sélectionner les séquences à comparer



la séquence de référence est toujours celle qui est placée en premier.
(En général c'est la séquence normale)



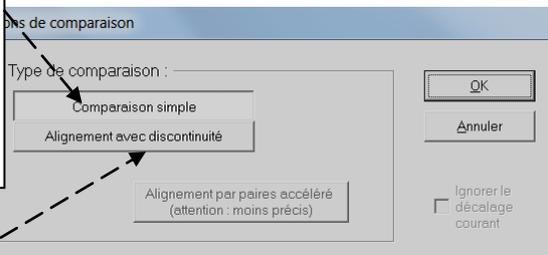
Pour changer la position d'une séquence:
 Les flèches grises haut-bas permettent de déplacer une séquence vers le haut ou vers le bas.
 La marque rouge: permet de sélectionner la séquence à déplacer

Pour sélectionner des séquences pour comparaison: Cliquer sur le bouton devant la séquence, elle s'inscrit sur fond blanc.

Comparer des séquences sélectionnées

Cliquer sur l'icône **"comparer les séquences"**.
 Une fenêtre s'affiche: choisir une des deux possibilités selon la longueur des séquences à comparer

Permet de comparer point par point des séquences: à choisir lorsque les **séquences sont de même longueur**.



Permet de comparer en éliminant les décalages : à choisir lorsque les **séquences sont de longueurs différentes**

L'échelle (la règle): l'échelle des nucléotides est toujours en mode décimal et l'échelle des acides aminés non. **Selon les séquences traitées, on sélectionne l'échelle souhaitée en cliquant dessus.**



L'absence d'étoile indique ici que les nucléotides des 3 séquences ne sont pas identiques !
 Ici la 2^{ème} séquence possède une « Guanine » à la place de « Cytosine ».

Le tiret indique que le nucléotide est identique à celui de la séquence de référence (en première ligne).